

## 研究區(通告)

摘要：高雄長庚研究區舉辦「NGS Data Analysis and Application 次世代定序(NGS)數據分析與應用」專業訓練，請踴躍參加！

一、主旨：高雄長庚研究區舉辦「NGS Data Analysis and Application 次世代定序(NGS)數據分析與應用」專業訓練。

二、說明：

(一) 日期：104 年 4 月 1 日(星期三)

(二) 時間：上午 10:00~12:00

(三) 地點：兒童醫院 12 樓醫研部會議室

(四) 主講者：景晟生物科技股份有限公司 郭雅玲 專員

(五) 課程簡介：NGS 是目前最新且高通量的定序方法，而隨著新世代定序技術的進步，讓 NGS 逐漸成為經常性的分析方法，但定序數據產出的資料通常龐大又複雜，因此如何能快速有效率地分析 NGS 數據儼然成為一個很重要的課題。所以本次將針對 NGS 數據於 DNA-Seq、RNA-Seq 與 Methyl-Seq 在軟體上的操作介面與分析功能進行說明。Strand NGS 是一套整合型軟體，可對於多個定序平台所提供的 NGS 數據進行分析。無論是最原始的數據或是已進行 Alignment 的檔案格式，皆可輸入軟體進行後續的一系列客製化的分析。目前此套軟體可應用於 DNA-Seq、RNA-Seq、ChIP-Seq、Small RNA-Seq 及 Methyl-Seq (Bisulfite converted DNA-Seq)處理完整的數據分析，包括 Data QC、Alignment、SNP/MNP/InDel Detection(DNA)、Expression/Splicing analysis (RNA)、Peak/Motif detection(ChIP)、Target miRNAPrediction(Small RNA)、Methylated cytosines detection(Methylated DNA)以及 GeneOntology 與 Pathway analysis 等功能，提供一條龍式的數據分析結果。並且，搭配軟體將高通量 NGS 數據轉化成圖形化介面，讓分析變得更加簡單、一目了然，即使沒有專業 IT 背景，自行分析 NGS data 也不再是個難題！

(六) 報名方式：請依照附件(一)報名，以方便預估本次參與人數。

(七) 報名日期：即日起至 104 年 3 月 31 日止。