



Mascot search engine是蛋白質身份鑑定資料庫搜尋引擎，可建構Uniprot, EMBL, NCBI及客製化等蛋白質序列資料庫，藉此搜尋引擎系統將質譜儀胜肽分析之一次 (MS) 及二次 (MS/MS) 等質譜數據，與蛋白質序列資料庫進行比對分析，以機率演算模式提供高可信度的蛋白質身份鑑定結果。

Thermo Scientific Proteome Discoverer™ 是視窗模式質譜蛋白質體定性與定量整合分析軟體。可整合 Mascot, Byonic, Sequest 等不同蛋白質序列資料庫搜尋引擎之身份鑑定結果，以及SILAC, iTRAQ, TMT 和 Precursor ion area detection 等蛋白質及其胜肽定量分析結果。

此些商品化分析軟體分析結果皆以Excel 報表輸出，方便委測研究人員依研究設計進一步分析。